

Coffee Lectures: Die 25. Serie

Di, Mi, Do, 13:00–13:10, live im HCI G2

und online via Zoom <https://ethz.zoom.us/j/63020946312>



Dienstag, 22.3.22

Volltextsuche in Büchern mit Google Books (No. 2)

Sie haben keine Zeit, Bücher zu lesen, um herauszufinden, ob ein bestimmter Inhalt darin vorhanden ist? Google Books kann Hinweise geben – auch in Fällen, in denen kein Volltext zur Ansicht bereitgestellt wird.
Referent: Andrej Kilian

Importieren Sie Coffee Lectures in Ihren Kalender via www.infozentrum.ethz.ch

Mittwoch, 23.3.22

ChemSpider (No. 26)

Es gibt mehr als nur Reaxys und SciFinder[®]: ChemSpider ist die frei verfügbare Datenbank der Royal Society of Chemistry mit über 114 Millionen Strukturen. Mittels API sind auch automatisierte Abfragen möglich.
Referent: Dr. Leo Betschart

Donnerstag, 24.3.22

Navigieren Sie durch EMBL-EBI (No. 52)

Neue Initiativen, Datenrepositorien, On-Demand-Schulungen – erhalten Sie einen Einblick in das Angebot des Europäischen Bioinformatik-Instituts EMBL.
Referentin: Dr. Gina Cannarozzi



Kompletieren und erweitern Sie Ihre Sammlung von Coffee Lecture-Karten.

Dienstag, 29.3.22

Struktursuche nach Markushformeln (No. 48)

Wie stellen Sie sicher, dass Ihre neue Verbindung nicht bereits von einem Patent geschützt wird? Markush-Formeln sind allgemeine Beschreibungen chemischer Verbindungen, die in Patenten genutzt werden. Wir zeigen Ihnen, wie man diese in Reaxys und SciFinder sucht.
Referent: Dr. Leo Betschart

Mittwoch, 30.3.22

WordPress Blogs für das Infomanagement (No. 15)

Mit dem WordPress-Service der ETH Zürich können Sie Websites und Journal-Clubs aufbauen. Das Infozentrum stellt eigene, praktische Anwendungsbeispiele vor.
Referent: Dr. Oliver Renn

Donnerstag, 31.3.22

Overleaf – LaTeX einfacher (No. 68)

Overleaf ist der beliebteste kollaborative LaTeX-Online-Editor. Er wird mit einer einsatzbereiten LaTeX-Umgebung geliefert und alles, was Sie zum Schreiben benötigen, ist ein Webbrowser.
Referentin: Dr. Jozica Dolenc

Dienstag, 5.4.22

KnowItAll Informatics System – Spektrensoftware (No. 6)

Lernen Sie die Vorteile der KnowItAll Software für Spektrenanalyse, Identifizierung und Spektrensuche über die allgemein verwendete KnowItAll AnyWare Web-Schnittstelle kennen.
Referentin: Dr. Jozica Dolenc

Mittwoch, 6.4.22

Alle Möglichkeiten von Scopus nutzen (No. 17)

Scopus bietet viele Möglichkeiten, Suchergebnisse zu erweitern oder einzuschränken und zu analysieren. Wir zeigen Ihnen, wann ein Extraklick sich lohnt.
Referent: Andrej Kilian

Donnerstag, 7.4.22

AlphaFold (No. 61)

AlphaFold, ein KI-System zur Vorhersage von Proteinstrukturen, hat beispiellosen Erfolg erzielt. Wir geben eine Übersicht über die Software und die Datenbank der vorhergesagten Strukturen, die beide frei zugänglich sind.
Referentin: Dr. Gina Cannarozzi